



# 2×Universal SYBR qPCR Master Mix QP101

## 产品概述

Product Overview

本产品为SYBR Green染料法qPCR反应的预混液，预混液中除了包含SYBR Green I、dNTP、Mg<sup>2+</sup>、Rox以及优化的缓冲体系外，还添加了由抗体结合的热启动Taq酶，显著提高qPCR反应的特异性和灵敏度。配制qPCR反应体系时，仅需加入引物和模板即可，减少操作步骤，降低交叉污染风险，确保实验结果的可重复性和稳定性。

本品扩增性能强，灵敏度高，随着模板浓度梯度降低，呈现良好的扩增曲线及扩增效率；稳定性好，在20次反复冻融或37°C下保存15天后性能仍然稳定；内含特殊的ROX染料，无需额外添加即可适配多种荧光定量PCR仪；其特有的抑制因子能有效阻止引物二聚体的形成，确保CT值真实可信。除此之外，对高GC含量的模板扩增效果极好。

## 产品组成

Product Composition

组 分	QP101A	QP101B
2×Universal SYBR qPCR Master Mix	4×1.25 mL	5×QP101A

## 注意事项

Precautions

本产品仅供科学研究使用，不得用于临床医学诊断及其他非合理用途。

- 使用前请轻柔颠倒混匀数次，并短暂离心后使用。若发现解冻后出现少量白色沉淀，请于室温静置片刻后轻柔颠倒混匀，待沉淀溶解后使用；
- 预混液中含SYBR Green I 荧光染料，需避光保存，配制反应体系时，尽量避免强光照射；
- 加样过程中吹打要轻，防止产生过多气泡影响荧光信号采集；
- 避免反复冻融，并在冰上配置反应体系，以免造成酶活下降；

## 操作流程

Operation Process

### 1. 体系配制

组分	使用量
RNase Free H <sub>2</sub> O	Up to 20 μL <sup>*1</sup>
2×Universal SYBR qPCR Master Mix	10 μL
Primer 1 (10 μM)	0.5 - 1 μL
Primer 2 (10 μM)	0.5 - 1 μL
Template DNA <sup>*2</sup>	1 - 2 μL

\*1: 推荐使用 20 μL，以保证目的基因扩增的有效性和重复性；

\*2: 可根据 CT 值大小稀释调整模板 cDNA 浓度。

## 2. 反应程序

步骤	时间	
95°C	30 sec <sup>*1</sup>	} 预变性 40 - 45 Cycles
95°C	5 sec	
60°C <sup>*2</sup>	10 - 30 sec <sup>*3</sup>	
熔解曲线	仪器默认设置	

\*1: 大部分模板可使用该条件进行变性，模板复杂时可调整预变性时间。

\*2: 荧光信号采集。

\*3: 标准程序选择 30 sec；快速程序：对于 200 bp 以内的扩增子最短可设为 10 sec；超过 200 bp 的扩增子，推荐延伸时间为 30 sec。

### 保存条件

Storage Conditions

-30 ~ -15°C保存，干冰/-20°C运输。

## 1. 溶解曲线出现非特异峰

在目的峰前端，即  $T_m=75$  左右出现的峰为引物二聚体峰；紧挨着目的峰前后，有可能是非特异产物峰或者是 gDNA 扩增峰；分析如下：

- 1) 引物设计不优，需根据设计原则设计合成新的引物。
- 2) 引物浓度太高：适当降低引物浓度。
- 3) 检测的目的基因同源家族基因较多，重新设计引物或采用探针法进行定量检测；
- 4) cDNA 模板带有基因组污染：重新制备 cDNA 模板。

## 2. 扩增曲线形状异常

- 1) 扩增曲线不光滑：信号太弱，经系统矫正后产生。提高模板浓度重复实验。
- 2) 扩增曲线断裂或下滑：模板浓度较高，基线的终点值大于 CT 值。减小基线终点(CT 值-4)，重新分析数据。
- 3) 个别扩增曲线突然骤降：反应管内留有气泡。处理样本时要注意离心，进行扩增反应之前要仔细检查反应管内是否有气泡残留。

## 3. 反应结束无扩增曲线出现

- 1) 反应循环数不够：一般设置循环数为 40，但需要注意的是过多的循环会增加过多的背景信号，降低数据可信度。
- 2) 确认程序中是否设置了信号采集步骤：两步法扩增程序一般将信号采集设置在退火延伸阶段；三步法扩增程序应当将信号采集设置在  $72^{\circ}\text{C}$  延伸阶段。
- 3) 确认引物是否降解：长时间未用的引物应先通过 PAGE 电泳检测完整性，以排除其降解的可能。
- 4) 模板浓度太低：减少稀释度重复实验，一般未知浓度的样品先从最高浓度做起。
- 5) 模板降解：重新制备模板，重复实验。

## 4. CT 值出现太晚

- 1) 扩增效率极低：优化反应条件，尝试三步法扩增程序，或者重新设计合成引物。
- 2) 模板浓度太低：减少稀释度重复实验，一般未知浓度的样品先从最高浓度做起。
- 3) 模板降解：重新制备模板，重复实验。
- 4) PCR 产物太长：推荐 PCR 产物长度为 80 - 150 bp。
- 5) 体系中存在 PCR 抑制剂：一般为模板带入，加大模板稀释倍数或者重新制备模板重复实验。

## 5. 阴性对照出现明显扩增

- 1) 反应体系污染：更换新的 Mix、ddH<sub>2</sub>O、引物重复实验。反应体系在超净工作台内配制，减少气溶胶污染。
- 2) 引物二聚体的出现：配合溶解曲线进行分析。

## 6. 绝对定量时标准曲线线性关系不佳

- 1) 加样误差：提高模板稀释倍数，提高加样体积。
- 2) 标准品降解：重新制备标准品，重复实验。
- 3) 模板浓度太高：提高模板稀释倍数。

## 7. 实验重复性差

- 1) 加样体积失准：使用性能较好的移液器；将模板做高倍稀释，以大体积加入反应体系中。
- 2) 定量 PCR 仪的不同位置温度控制不一致：定期校准仪器。
- 3) 模板浓度太低：模板浓度越低，重复性越差，减少模板稀释度或提高加样体积。